

外科 マンスリーレター 2018.05

近隣地域の先生方には平素より大変お世話になります。今月の外科マンスリーレターは大江秀典が担当いたします。

新年度となりました。まず、外科におきましても新たな仲間が加わりましたので、ご紹介させていただきます。青山太郎医師、そして当院初期研修を終了した植村泰佑医師です。両人ともトレーニングを受けた働き盛りの若手であり、更に外科のアクティビティを高めることに貢献してくれると期待しています。



青山 植村

私大江ですが、今年度より感染症科も兼務することとなりました、消化器外科は感染症治療とは元来切っても切れない関係にあります、今後は更に勉強し感染症治療に役立ちたいと考えています。

Anaerobe 40 (2016) 95–99

Contents lists available at ScienceDirect

Anaerobe

journal homepage: www.elsevier.com/locate/anaerobe



C. difficile (including epidemiology)

Reclassification of *Clostridium difficile* as *Clostridioides difficile* (Hall and O'Toole 1935) Prévot 1938



Paul A. Lawson^{a,*}, Diane M. Citron^b, Kerin L. Tyrrell^b, Sydney M. Finegold^{c,d,e}

^a Department of Microbiology and Plant Biology, University of Oklahoma, Norman, USA

^b R. M. Alden Research Laboratory, Culver City, CA, 90230, USA

^c Infectious Diseases Section, VA Medical Center West Los Angeles, 90073, USA

^d Department of Medicine, The David Geffen School of Medicine at the University of California, Los Angeles, CA, USA

^e Department of Microbiology, Immunology, and Molecular Genetics, The David Geffen School of Medicine at the University of California, Los Angeles, CA, USA

ARTICLE INFO

Article history:
Received 10 June 2016
Accepted 27 June 2016
Available online 28 June 2016

Handling Editor: Elisabeth Nagy

Keywords:

Clostridioides

Clostridium difficile

16S rRNA

Taxonomy

ABSTRACT

The recent proposal by Lawson and Rainey (2015) to restrict the genus *Clostridium* to *Clostridium butyricum* and related species has ramifications for the members of the genera that fall outside this clade that should not be considered as *Clostridium sensu stricto*. One such organism of profound medical importance is *Clostridioides difficile* that is a major cause of hospital-acquired diarrhea and mortality in individuals. Based on 16S rRNA gene sequence analysis, the closest relative of *Clostridium difficile* is *Clostridium mangenotii* with a 94.7% similarity value and both are located within the family *Peptostreptococcaceae* that is phylogenetically far removed from *C. butyricum* and other members of *Clostridium sensu stricto*. *Clostridium difficile* is *Clostridium mangenotii* each produce abundant H₂ gas when grown in PYG broth and also produce a range of straight and branched chain saturated and unsaturated fatty acids with C_{16:0} as a major product. The cell wall peptidoglycan contains meso-DAP as the diagnostic diamino acid. Based on phenotypic, chemotaxonomic and phylogenetic analyses, novel genus *Clostridioides* gen. nov. is proposed for *Clostridium difficile* as *Clostridioides difficile* gen. nov. comb. nov. and that *Clostridium mangenotii* be transferred to this genus as *Clostridioides mangenotii* comb. nov. The type species of *Clostridioides* is *Clostridioides difficile*.

© 2016 Elsevier Ltd. All rights reserved.

偽膜性腸炎を引き起こす *Clostridium difficile* は皆様ご存知かと思いますが、名称が変更になったことはご存知でしょうか？微生物の分野においては遺伝子解析による再分類が進んでおり、*C. difficile* は *Peptostreptococcaceae* 属に入ることが明らかになりました。そうになると *C. difficile* は *P. difficile* となり、従来の CDI は PDI となってしまいます。臨床の現場に混乱を来すことが懸念されることから *Clostridioides difficile* の名称が提唱され 2016 年にオーソライズされました。これからも引き続き *C. difficile* であり CDI であるのですが、実は属名変更されていたのです。